



Рис. 4. Организация кластера биодegradации фенола, содержащего опероны *pheA2A1* и *catABC*, в геномах бактерий рода *Rhodococcus* различных групп

Fig. 4. Organisation of phenol degradation cluster consisting of *pheA2A1* and *catABC* operons in bacteria *Rhodococcus* genomes of different groups