

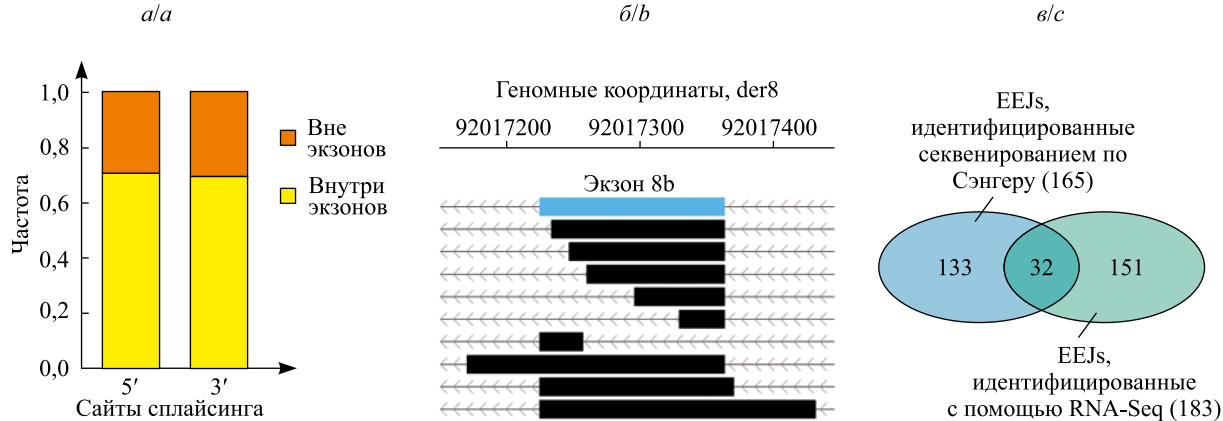


Рис. 1. Набор первичных данных по экспериментальным EEJs гибридного онкогена *RUNX1-RUNXIT1* может содержать технические артефакты:

- a* – около 70 % сайтов сплайсинга экспериментальных EEJs локализуется внутри канонических экзонов гибридного онкогена *RUNX1-RUNXIT1*;
- б* – канонический экзон 8b (выделен голубым цветом) гибридного онкогена *RUNX1-RUNXIT1* является классическим примером экзона, с которым ассоциировано множество альтернативных 5'- и 3'- сайтов сплайсинга, причем большая часть таких сайтов имеет внутриэкзонную локализацию. Альтернативные экзоны показаны черными прямоугольниками, фланкирующие интронные области изображены горизонтальными линиями, а направление транскрипции указано с помощью стрелок;
- в* – два разных подхода в идентификации EEJs (секвенирование по Сэнгеру и RNA-Seq) дают только частично перекрывающиеся результаты

Fig. 1. Dataset on the experimental EEJs of the fusion oncogene *RUNX1-RUNXIT1* may contain technical artifacts:

- a* – about 70 % of the splice sites of experimental EEJs are localized within the canonical exons of the fusion oncogene *RUNX1-RUNXIT1*;
- b* – the canonical exon 8b (sky blue rectangle) of the fusion oncogene *RUNX1-RUNXIT1* is a classic example of an exon with which many alternative 5' and 3' splice sites are associated.

Herewith, the most of these sites demonstrate intraexon localization. On this picture, alternative exons are shown in black rectangles, flanking intron regions are depicted by horizontal lines, and the direction of transcription is indicated by arrows;

*c* – two different approaches to identifying EEJs (Sanger sequencing and RNA-Seq) give only partially overlapping results