

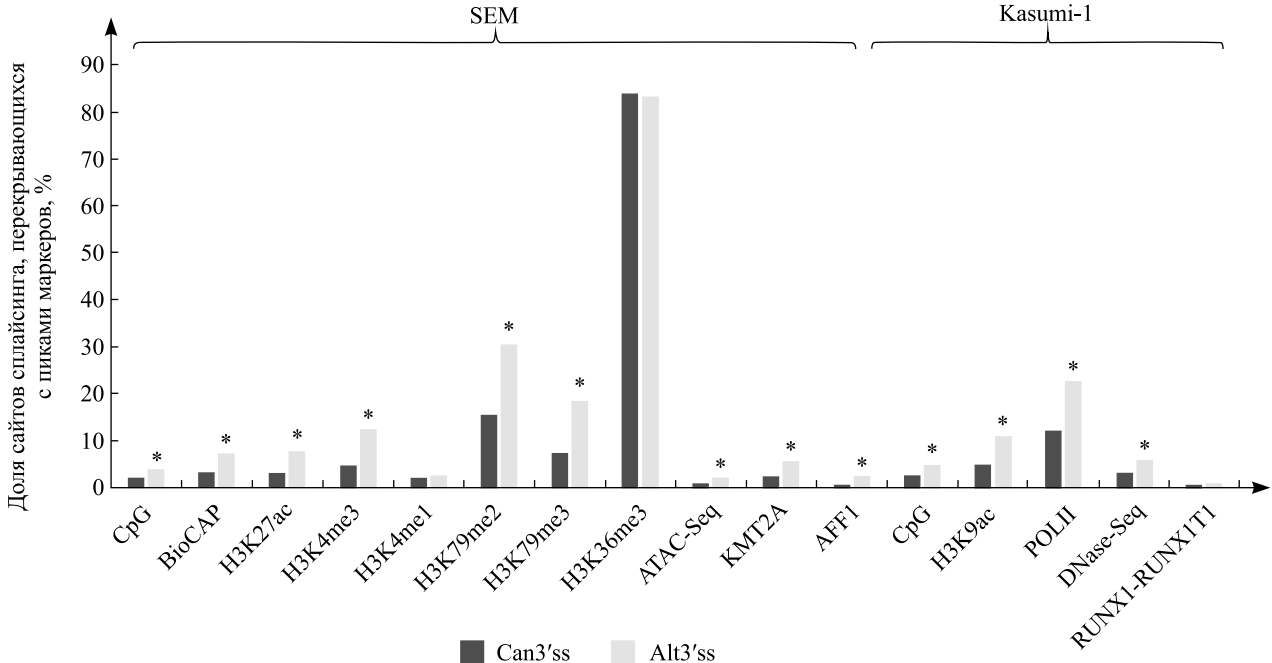


Рис. 9. Распределение эпигенетических маркеров в области акцепторных сайтов сплайсинга:

Can3'ss – канонический акцепторный сайт сплайсинга;

Alt3'ss – альтернативный акцепторный сайт сплайсинга;

\* – различия в значениях по указанному маркеру достоверны при  $p < 0,001$

Fig. 9. Distribution of epigenetic markers in the area of splicing acceptor sites:

Can3'ss is the canonical acceptor splice site;

Alt3'ss is the alternative acceptor site splicing;

\* – difference in value for the specified mark is significant at  $p < 0.001$