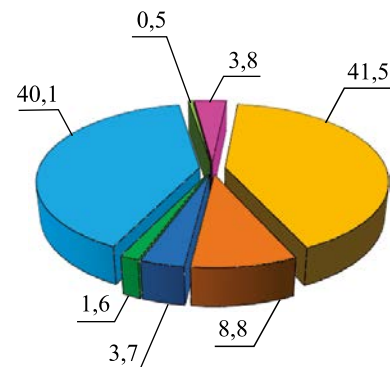
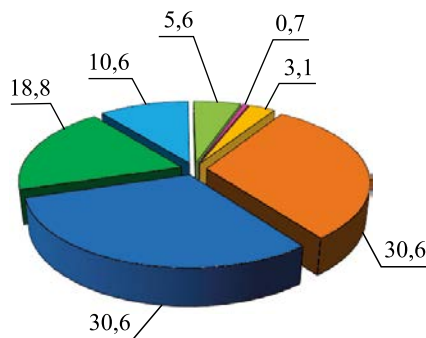
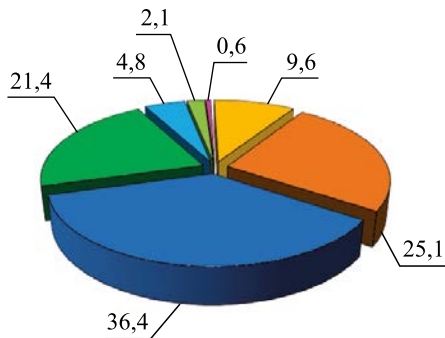


a/a

б/б

в/в



Моды сплайсинга:

- EEJs, ассоциированные с удержанием интронов
- Пропуск множества каскадных экзонов
- Альтернативный 3'-сайт сплайсинга
- Альтернативный последний экзон

- Пропуск одного каскадного экзона
- Альтернативный 5'-сайт сплайсинга
- Альтернативный первый экзон

Рис. 5. Классификация EEJs гибридного онкогена *RUNX1-RUNXIT1* по модам альтернативного сплайсинга.

Представлены частоты встречаемости (в процентах) семи основных мод сплайсинга среди EEJs, идентифицированных секвенированием по Сэнгеру (а), а также обнаруженных методом RNA-Seq без учета (б) или с учетом (в) уровня экспрессии

Fig. 5. Classification of EEJs of the fusion oncogene *RUNX1-RUNXIT1* according to modes, or types, of alternative splicing. The figure shows the frequency (in percent) of the seven main splicing modes among EEJs identified by Sanger sequencing (a) and by RNA-Seq without (b) or with taking into account the abundance of junctions (c)