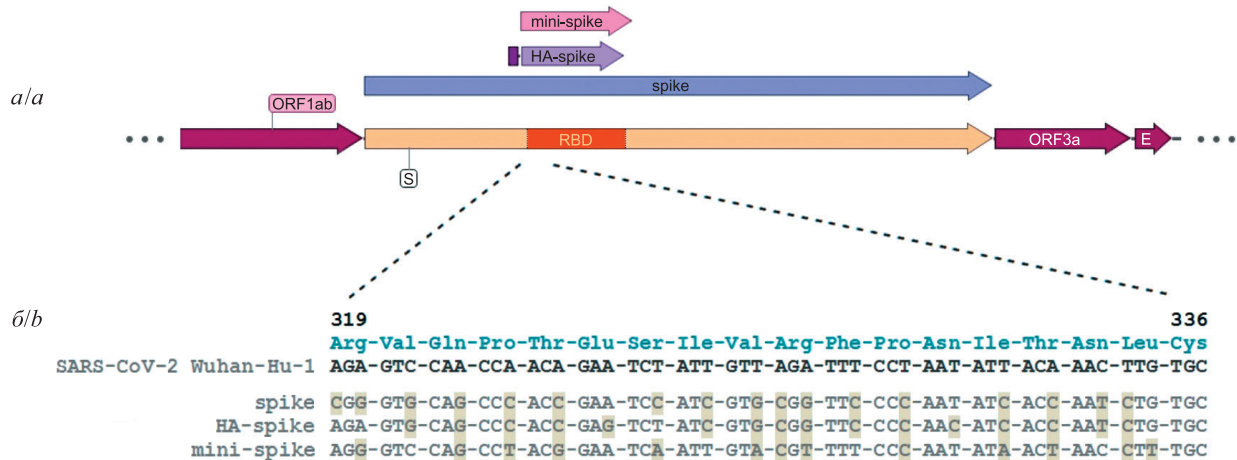




*Рис. 2.* Выравнивание последовательностей spike, HA-spike, mini-spike и фрагмента генома вируса SARS-CoV-2 изолята Wuhan-Hu-1 (*а*) и сравнение участка кодирующей последовательности RBD вируса SARS-CoV-2 и трех кандидатных последовательностей (*б*)

*Fig. 2.* Alignment of spike, HA-spike, mini-spike sequences against the genome fragment of the SARS-CoV-2 virus Wuhan-Hu-1 isolate (*a*) and comparison of the RBD coding sequence region of the SARS-CoV-2 virus and three candidate sequences (*b*)